

9	18	27	36	45	54
5' AGC TCA TGC TTC TCT GAA GAC TTG CAG CAA GGC TTG CTG AGG CTC ACA GAA GAT					
63	72	81	90	99	108
AGC CCC AGT GTT TTG GAG TGG TTT TGA ATG TGA TTC TGA GAT CAG ACT GAC TGA					
117	126	135	144	153	162
GCT GGA ATC CTG GCT TTA TAT CTT ACC AGC TAC WCA ACC TTG GAG TCT TAG AAA					
171	180	189	198	207	216
TTT TTT CTT TTC ART AAG CAG TCA TCC TTA CTT TCC CTC AAG ATG ACA AAC AGT					
				M	T N S
225	234	243	252	261	270
TCG TTC TTC TGC CCA GTT TAT AAA GAT CTG GAG CCA TTC ACG TAT TTT TTT TAT					
S F F C P V Y K D L E P F T Y F F Y					
279	288	297	306	315	324
TTA GTT TTC CTT GTT GGA ATT ATT GGA AGT TGT TTT GCA ACC TGG GCT TTT ATA					
L V F L V G I I G S C F A T W A F I					
333	342	351	360	369	378
CAG AAG AAT ACG AAT CAC AGG TGT GTG AGC ATC TAC TTA ATT AAT TTG CTT ACA					
Q K N T N H R C V S I Y L I N L L T					
387	396	405	414	423	432
GCC GAT TTC CTG CTT ACT CTG GCA TTA CCA GTG AAA ATT GTT GTT GAC TTG GGT					
A D F L L T L A L P V K I V V D L G					
441	450	459	468	477	486
GTG GCA CCT TGG AAR CTG AAG ATA TTC CAC TGC CAA GTA ACA GCC TGC CTC ATC					
V A P W K L K I F H C Q V T A C L I					
495	504	513	522	531	540
TAT ATC AAT ATG TAT TTA TCA ATT ATC TTC TTA GCA TTT GTC AGC ATT GAC CGC					
Y I N M Y L S I I F L A F V S I D R					
549	558	567	576	585	594
TGT CTT CAG CTG ACA CAC AGC TGC AAG ATC TAC CGA ATA CAA GAA CCC GGG TTT					
G I Q I T H Q Q V I V P A A Q S D A F					
603	612	621	630	639	648
GCC AAA ATG ATA TCA ACC GTT GTG TGG CTA ATG GTC CTT CTT ATA ATG GTG CCA					
A K M I S T V V W I M V D L T M V P					

FIGURE 1A

657	666	675	684	693	702
AAT ATG ATG ATT CCC	ATC AAA GAC	ATC AAG GAA	AAG TCA AAT	GTG GGT TGT	ATG
N M M I P	I K D I K E K S N V G C M				
711	720	729	738	747	756
GAG TTT AAA AAG GAA	TTT GGA AGA	AAT TGG CAT	TTG CTG ACA	AAT TTC ATA	TGT
E F K K E F G R N W H L L T N F I C					
765	774	783	792	801	810
GTA GCA ATA TTT TTA	AAT TTC TCA	GCC ATC ATT	TTA ATA TCC	AAT TGC CTT	GTA
V A I F L N F S A I I L I S N C L V					
819	828	837	846	855	864
ATT CGA CAG CTC TAC	AGA AAC AAA	GAT AAT GAA	AAT TAC CCA	AAT GTG AAA	AAG
I R Q L Y R N K D N E N Y P N V K K					
873	882	891	900	909	918
GCT CTC ATC AAC ATA	CTT TTA GTG	ACC ACG GGC	TAC ATC ATA	TGC TTT GTT	CCT
A L I N I L L V T T G Y I I C F V P					
927	936	945	954	963	972
TAC CAC ATT GTC CGA	ATC CCG TAT	ACC CTC AGC	CAG ACA GAA	GTC ATA ACT	GAT
Y H I V R I P Y T L S Q T E V I T D					
981	990	999	1008	1017	1026
TGC TCA ACC AGG ATT	TCA CTC TTC	AAA GCC AAA	GAG GCT ACA	CTG CTC CTG	GCT
C S T R I S L F K A K E A T L L L A					
1035	1044	1053	1062	1071	1080
GTG TCG AAC CTG TGC	TTT GAT CCT	ATC CTG TAC	TAT CAC CTC	TCA AAA GCA	TTC
V S N L C F D P I L Y Y H L S K A F					
1089	1098	1107	1116	1125	1134
CGC TCA AAG GTC ACT	GAG ACT TTT	GCC TCA CCT	AAA GAG ACC	AAG GCT CAG	AAA
R S K V T E T F A S P K E T K A Q K					
1143	1152	1161	1170	1179	1188
GAA AAA TTA AGA TGT	GAA AAT AAT	GCA TAA AAG	ACA GGA TTT	TTT GTG CTA	CCA
E K L R C E N N A					
1197	1206	1215	1224	1233	1242
AAT CTG GTC TTA CIG	GAC CAT AAA	GTT AAT TAT	AGC TTT GAA	AGA TAA AAA	AAA
1251					
AAA AAA AAA AAA AA 3'					

FIGURE 1B

1 M T N S S E F C F V Y - - - K D L E P F T Y - - - - - 346874
1 M N S F V Y T F D Y G H Y D D K D T L D L N T P V D K T S N T L R V P D I L A G I 115262
20 - - E F F L V F L V G I I G S C F A T W - - A F I Q K N T N H R C V S I Y L I N 346874
41 L V I F A V V F L V G V L G N A L V V W T A F E A K R T I N - - A I W F L N G I 115262
56 L L T A C F I L L T L A L P V K I V V D L G V A P W K K I F H C Q V T A C L I Y 346874
78 L A V A C F I S C L A L P I L F T S I V Q H H H W P F G G A A C S I L P S L I L G I 115262
96 I N M Y L S I I F L A F V S I D R C L Q L T H S - - C K I Y R I Q E P G F A K M 346874
118 L N M Y A S I L L L A T I S A D R F L L V F K P I W C Q N F R - - G A G L A W I G I 115262
134 I S T V V W L M V L L I M V P N M M I P I K D I K E K - - - S N V G C - M E F K 346874
156 A C A V A W G L A L L L T I P S F L Y R V - - V R E E Y F P P K V L C G V D Y S G I 115262
170 K E F C R N W H L L T N F I C V A I F L N F - S A I I L I S N C L V I R Q L Y R 346874
194 H D K R E R A V A I - - - V R L V L G F L W P L L T L T I C Y T F I - L L R G I 115262
209 N K D G E N V P N V K K A L I N I L L V T T G Y I I C F V P Y H I V R I P Y T L 346874
229 T W S - R A T R S T K T L K V V V A V V A S F F I F W L P Y Q V T G I M M S F G I 115262
249 S C T E V I T D C S T R I S L F K A K E A T L L A V S N L C F D P I L Y Y H L 346874
268 - - - L E P S S P T F L L L N K L D S L C V S F A Y I N C I N P I I Y V V A G I 115262
289 S K A P R S K V T E T F A S - - - - - P K E T K A - - - - Q K E K 346874
304 G G G I Q G R L R K S L P S L L R N V L T E E S V V R E S K S F T R S T V D T M G I 115262
313 L F C E N N A 346874
344 A C K Q A V G I 115262

FIGURE 2

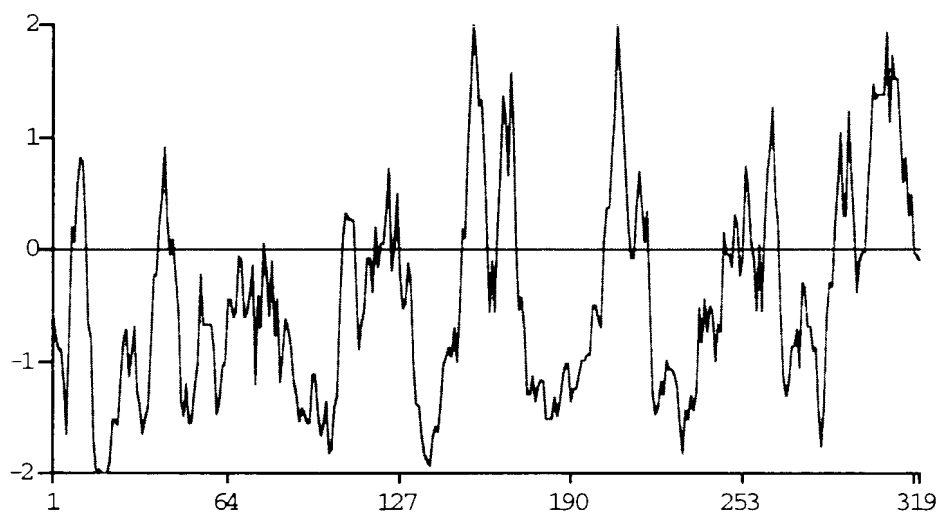


FIGURE 3A

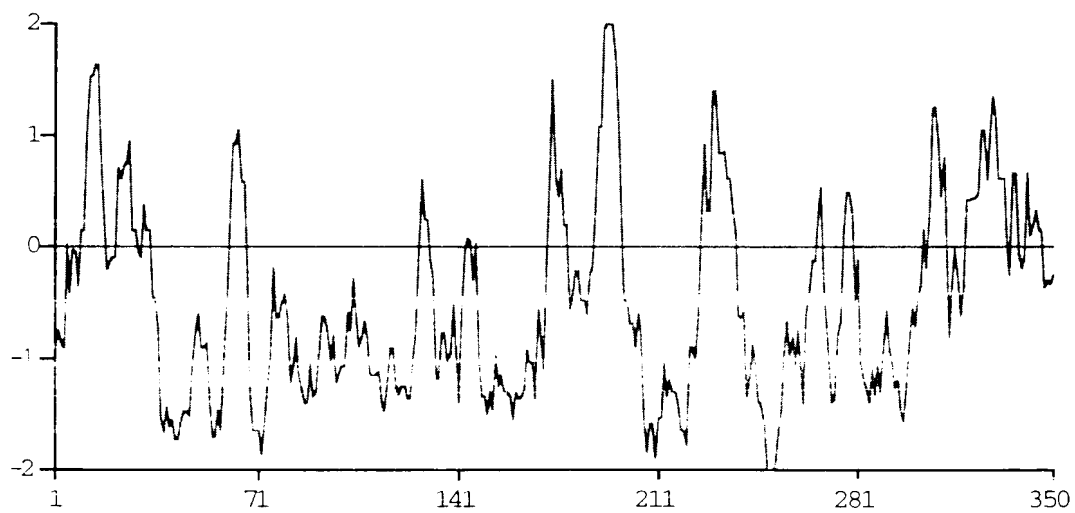


FIGURE 3B